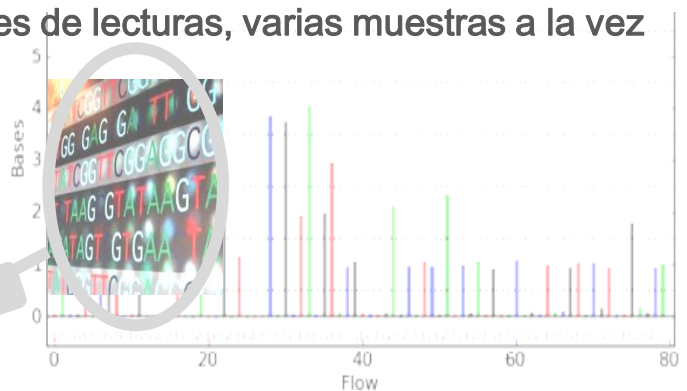


# Servicio de Secuenciación Masiva (NGS)

## Ventajas

- >Rápido
- >Fácil y Económico
- >Escalable y Flexible: miles-millones de lecturas, varias muestras a la vez (multiplexing)
- >Preciso
- >Análisis de Datos

Lecturas cortas y largas  
Entrega rápida



## Principales Aplicaciones

- ChIP-SEQ
- RNA-Seq
- Small RNA & miRNA Sequencing
- Gene Expression Profiles (mRNA)
- de novo* ( small, amplicons, mitoDNA, ...)
- Microbial Sequencing ,metagenomics
- Human Identification (Forensic Appl.)
- Genomics Structural Variants
- CANCER research, Cardiopatías, Enfermedades Neurodegenerativas y hereditarias...
- A LA CARTA



TARGETED SEQUENCING



EXOME SEQUENCING



TRANSCRIPTOME SEQUENCING



GENOME SEQUENCING

**INFO:** [www.cabimer.es/web/es/unidades-apoyo/genomica](http://www.cabimer.es/web/es/unidades-apoyo/genomica)